



Molekylære subtyper av brystkreft

DOKTORAVHANDLINGER

MARIT VALLA

E-post: marit.valla@ntnu.no

Insidensen av brystkreft har økt, og prognosen blir stadig bedre, men ikke for alle subtyper.



Foto: Christian Samsonsen

I mitt doktorgradsprosjekt har jeg studert insidens og prognose ved brystkreft. Prosjektet tok utgangspunkt i 1 423 brystkreftsvulster som vi har reklassifisert i seks ulike molekulære subtyper ved hjelp av immunhistokjemi og *in situ* hybridisering. Svulstene ble diagnostisert i Trondheim i perioden 1961–2009. I løpet av perioden har det vært en klar økning i insidens for subtypene Luminal A og Luminal B (HER2-), og vi fant en bedret prognose for disse to subtypene, samt for basal fenotype. Deretter delte vi brystkreftsvulstene opp i nye undergrupper basert på antall kopier av det proliferasjonsassosierte genet *faciogenital dysplasi 5 (FGD5)* og uttrykk av FGD5-proteinet. Amplifikasjon (økt antall kopier) av FGD5 var assosiert med høyere proliferasjon og dårligere prognose. Tilsvarende sammenhenger ble ikke funnet for nivået av FGD5-proteinet.

Proliferasjon er svært viktig for kreftutvikling, og identifikasjon av nye proliferasjons-assosierte gener kan potensielt føre til utvikling av ny målrettet behandling.

Disputas

Marit Valla disputerte for ph.d.-graden ved Norges teknisk-naturvitenskapelige universitet 12.10.2017. Tittelen på avhandlingen er *Molecular Subtypes of Breast Cancer: Incidence and Prognosis*.

Publisert: 15. oktober 2018. Tidsskr Nor Legeforen. DOI: [10.4045/tidsskr.18.0491](https://doi.org/10.4045/tidsskr.18.0491)

© Tidsskrift for Den norske legeforening 2020. Lastet ned fra tidsskriftet.no